

Krankenkasse bzw. Kostenträger		
Name, Vorname des Versicherten	Geb. am	
Kostenträgerkennung	Versicherten-Nr.	Status
Betriebsstätten-Nr.	Arzt-Nr.	Datum



Schloßstr. 56  
70176 Stuttgart  
Tel.: (0711) 56610-925  
Fax: (0711) 50474114  
[www.molpath-bw.de](http://www.molpath-bw.de)  
[info@molpath-bw.de](mailto:info@molpath-bw.de)

Versicherungsstatus: <input type="checkbox"/> ambulant (KV) <input type="checkbox"/> privat <input type="checkbox"/> stationär <input type="checkbox"/> privat stationär  Fragestellung / Indikation: _____	Rechnungsempfänger: <div style="border: 1px solid black; padding: 5px; min-height: 80px;">           Auf Veranlassung:         </div>
---	--

**Anforderung molekularpathologischer Untersuchungen an Liquid Biopsy**  
Eingangsnr. Molpath: \_\_\_\_\_

Materialart: <input type="checkbox"/> Peripheres Blut <input type="checkbox"/> Sonstiges: _____
Histologische Diagnose: <div style="border: 1px solid black; display: inline-block; width: 450px; height: 25px; vertical-align: middle;"></div> <input type="checkbox"/> Eilig <b>(bitte Befunde beilegen)</b>

<input type="checkbox"/> <b>Mammakarzinom:</b> Hotspotmutationen der Gene <i>ESR1</i> und <i>PIK3CA</i> mittels Custom-Panel  <input type="checkbox"/> <b>Custom-Panel</b> Hotspotmutationen der Gene <i>AKT1</i> , <i>BRAF</i> , <i>CTNNB1</i> , <i>EGFR</i> (ohne p.T790M), <i>ERBB2</i> , <i>ESR1</i> , <i>IDH1</i> , <i>IDH2</i> , <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> , <i>PIK3CA</i> , <i>POLE</i> und <i>KIT</i> p.D816V <input type="checkbox"/> Verlaufskontrolle bei bekanntem Mutationsstatus ( <b>bitte entsprechende Befunde beilegen</b> )  <input type="checkbox"/> <b>Lungenkarzinom (Oncomine™ Dx Express Test (CE-IVD)):</b> Hotspotmutationen der Gene <i>AKT1</i> , <i>AKT2</i> , <i>AKT3</i> , <i>ALK</i> , <i>AR</i> , <i>ARAF</i> , <i>BRAF</i> , <i>CDK4</i> , <i>CHEK2</i> , <i>CTNNB1</i> , <i>EGFR</i> , <i>ERBB2</i> , <i>ERBB3</i> , <i>ERBB4</i> , <i>ESR1</i> , <i>FGFR1</i> , <i>FGFR2</i> , <i>FGFR3</i> , <i>FGFR4</i> , <i>FLT3</i> , <i>GNAS</i> , <i>HRAS</i> , <i>IDH1</i> , <i>IDH2</i> , <i>KEAP1</i> , <i>KIT</i> , <i>KRAS</i> , <i>MAP2K1</i> , <i>MAP2K2</i> , <i>MET</i> , <i>NRAS</i> , <i>NTRK1</i> , <i>NTRK2</i> , <i>NTRK3</i> , <i>PDGFRA</i> , <i>PIK3CA</i> , <i>PTEN</i> , <i>RAF1</i> , <i>RET</i> , <i>ROS1</i> , <i>STK11</i> und <i>TP53</i> . Fusionen und Splice-Varianten der Gene <i>ALK</i> , <i>MET</i> , <i>RET</i> , <i>ROS1</i> , <i>NTRK1</i> , <i>NTRK2</i> und <i>NTRK3</i> . <input type="checkbox"/> Primäranalyse <input type="checkbox"/> Verlaufskontrolle bei bekanntem Mutationsstatus ( <b>bitte entsprechende Befunde beilegen</b> ) <input type="checkbox"/> Resistenztestung ( <b>bitte Befunde zum Mutationsstatus und Therapie beilegen</b> )
--