

Krankenkasse bzw. Kostenträger		
Name, Vorname des Versicherten	Geb. am	
Kostenträgerkennung	Versicherten-Nr.	Status
Betriebsstätten-Nr.	Arzt-Nr.	Datum



Schloßstr. 56  
70176 Stuttgart  
Tel.: (0711) 56610-925  
Fax: (0711) 50474114  
[www.molpath-bw.de](http://www.molpath-bw.de)  
[info@molpath-bw.de](mailto:info@molpath-bw.de)

<b>Versicherungsstatus:</b> <input type="checkbox"/> ambulant (KV) <input type="checkbox"/> privat <input type="checkbox"/> stationär <input type="checkbox"/> privat stationär  Fragestellung / Indikation: _____	<b>Rechnungsempfänger:</b> Auf Veranlassung: <div style="border: 1px solid black; height: 80px; width: 100%;"></div>
--	--

**Anforderung molekularpathologischer Untersuchungen an soliden Tumoren**  
Eingangsnr. Molpath: \_\_\_\_\_

Ihre Eingangsnummer: <input type="text"/>	Blocknummer: <input type="text"/>
Materialart: <input type="checkbox"/> FNP <input type="checkbox"/> Biopsat <input type="checkbox"/> Resektat <input type="checkbox"/> Abradat   Tumorzellgehalt: _____ %   Mikrodissektion: <input type="checkbox"/> Ja / <input type="checkbox"/> Nein	
Histologische Diagnose: <input type="text"/> (bitte Befunde beilegen)	
<input type="checkbox"/> Primärtumor / <input type="checkbox"/> Metastase	ICD-10: <input type="text"/> <input type="checkbox"/> Eilig

<input type="checkbox"/> <b>Lungenkarzinom:</b> v.a. <i>EGFR, KRAS, BRAF, MET, ERBB2(HER2), STK11, KEAP1, ALK, ROS1, RET, NRG1, NTRK1-3</i> <input type="checkbox"/> Primäranalyse <input type="checkbox"/> Resistenztestung ( <b>bitte Befunde zum Mutationsstatus und Therapie beilegen</b> )
<input type="checkbox"/> <b>Kolorektales Karzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>RAS</i> <input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> <input type="checkbox"/> <i>ERBB2(HER2)</i> <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i> <input type="checkbox"/> MSI
<input type="checkbox"/> <b>Melanom:</b> <input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> <input type="checkbox"/> <i>NRAS</i> <input type="checkbox"/> <i>KIT</i> <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i>
<input type="checkbox"/> <b>Endometriumkarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>POLE</i> <input type="checkbox"/> <i>TP53</i> <input type="checkbox"/> <i>CTNNB1</i> <input type="checkbox"/> MSI <input type="checkbox"/> <i>MLH1</i> -Methylierung <input type="checkbox"/> HRD
<input type="checkbox"/> <b>Schilddrüsenkarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> <input type="checkbox"/> <i>RET</i> <input type="checkbox"/> <i>MET</i> <input type="checkbox"/> <i>ALK</i> <input type="checkbox"/> <i>ROS1</i> <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i> <input type="checkbox"/> MSI
<input type="checkbox"/> <b>Gallengangskarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> <input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> <input type="checkbox"/> <i>ERBB2(HER2)</i> <input type="checkbox"/> <i>FGFR2</i> <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i> <input type="checkbox"/> MSI
<input type="checkbox"/> <b>GIST:</b> <i>KIT, PDGFRA</i>
<input type="checkbox"/> <b>Mammakarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2*</i> <input type="checkbox"/> <i>PIK3CA</i> <input type="checkbox"/> <i>ESR1</i> <input type="checkbox"/> <i>ERBB2(HER2)</i> -Mutationen <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i> <input type="checkbox"/> HRD <input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2</i> -Methylierung
<input type="checkbox"/> <b>Magenkarzinom:</b> <input type="checkbox"/> MSI <input type="checkbox"/> <i>ERBB2(HER2)</i> <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i> <input type="checkbox"/> (EBV)
<input type="checkbox"/> <b>Ovarialkarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2*</i> <input type="checkbox"/> HRD <input type="checkbox"/> MSI
<input type="checkbox"/> <b>Pankreaskarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2*</i> <input type="checkbox"/> MSI <input type="checkbox"/> HRD <input type="checkbox"/> andere HRR-Gene
<input type="checkbox"/> <b>Prostatakarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2*</i> <input type="checkbox"/> andere HRR-Gene <input type="checkbox"/> HRD <input type="checkbox"/> MSI
<input type="checkbox"/> <b>Urothelkarzinom:</b> <input type="checkbox"/> <i>FGFR2-3</i> <input type="checkbox"/> MSI <input type="checkbox"/> <i>NTRK1-3</i>
<input type="checkbox"/> <b>Gliom:</b> <input type="checkbox"/> <i>MGMT</i> -Methylierung <input type="checkbox"/> <i>IDH1/2</i> <input type="checkbox"/> 1p/19q-Kodeletion <input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> <input type="checkbox"/> <i>TP53</i>
<input type="checkbox"/> <b>Große NGS-Panels*</b> (z.B. für austherapierte Patienten, CUP, mgl. Studieneinschluss): >500 Gene, MSI, TMB, HRD (OncoPrint™ Comprehensive Assay Plus)
* Einwilligung laut Gendiagnostikgesetz liegt vor.
<b>Name / Unterschrift einsendende(r) Gesellschafter/in:</b>

## Übersicht NGS-Panels:

### **Oncomine™ Dx Express Test (CE-IVD, Mutationen, Amplifikationen, Fusionen)**

#### Hotspotregionen der Gene:

*AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, BRAF, CDK4, CHEK2, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RAF1, RET, ROS1, STK11, TP53*

#### Amplifikationen der Gene:

*AR, EGFR, ERBB2, ERBB3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, PIK3CA*

#### Genfusionen (Inter- und intragenisch)

*ALK, AR, BRAF, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3*

### **Custom-Assay 1 (Mutationen)**

#### Hotspotregionen der Gene:

*ESR1, POLE*

### **Custom-Assay 2 (Mutationen, Fusionen)**

#### Hotspotregionen der Gene:

*AKT1, BRAF, CTNNB1, EGFR (ohne p.T790M), ERBB2, ESR1, IDH1, IDH2, KRAS, NRAS, PIK3CA, POLE, KIT p.D816V*

#### Genfusionen

*NTRK1, NTRK2 und NTRK3*

### **Oncomine™ Comprehensive Assay Plus (Mutationen, Fusionen, Kopienzahlveränderungen, TMB-, HRD- und MSI-Analyse)**

#### Hotspotregionen der Gene:

*ACVR1, ATP1A1, BCR, BMP5, BTK, CACNA1D, CD79B, CSF1R, CTNNB1, CUL1, CYSLTR2, DGCR8, DROSHA, E2F1, EPAS1, FGF7, FOXL2, FOXO1, GLI1, GNA11, GNAQ, H2BC5, (HIST1H2BD), H3C2, (HIST1H3B), HIF1A, HRAS, IDH1, IL6ST, IRF4, IRS4, KLF4, KNSTRN, MAP2K2, MED12, MYOD1, NSD2, NT5C2, NTRK2, NUP93, PAX5, PIK3CD, PIK3CG, PTPRD, RGS7, RHOA, RPL10, SIX1, SIX2, SNCAIP, SOS1, SOX2, SRSF2, STAT5B, TAF1, TGFB1, TRRAP, TSHR, WAS*

#### Amplifikationen der Gene:

*ABCB1, CTNND2, DDR1, EMSY, FGF19, FGF23, FGF3, FGF4, FGF9, FYN, GLI3, IGF1R, MCL1, MDM2, MYCL, RPS6KB1, RPTOR, YAP1, YES1*

#### Hotspotregionen und Amplifikationen der Gene:

*ABL1, ABL2, AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, AURKA, AURKC, AXL, BCL2, BCL2L12, BCL6, BRAF, CARD11, CBL, CCND1, CCND2, CCND3, CCNE1, CDK4, CDK6, CHD4, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ESR1, EZH2, FAM135B, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, FLT4, FOXA1, GATA2, GNAS, H3-3A (H3F3A), H3-3B (H3F3B), IDH2, IKBKB, IL7R, KDR, KIT, KLF5, KRAS, MAGOH, MAP2K1, MAPK1, MAX, MDM4, MECOM, MEF2B, MET, MITE, MPL, MTOR, MYC, MYCN, MYD88, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK3, PCBP1, PDGFRA, PDGFRB, PIK3C2B, PIK3CA, PIK3CB, PIK3R2, PIM1, PLCG1, PPP2R1A, PPP6C, PRKACA, PTPN11, PXDNL, RAC1, RAF1, RARA, RET, RHEB, RICTOR, RIT1, ROS1, SETBP1, SF3B1, SLCO1B3, SMC1A, SMO, SPOP, SRC, STAT3, STAT6, TERT, TOP1, TPMT, U2AF1, USP8, XPO1, ZNF217, ZNF429*

#### Komplette kodierende Sequenz der Gene:

*CALR, CIITA, CYP2D6, ERCC5, FAS, ID3, KLHL13, MTUS2, PSMB10, PSMB8, PSMB9, RNASEH2C, RPL22, RPL5, RUNX1T1, SDHC, SOCS1, STAT1, TMEM132D, UGT1A1, ZBTB20*

#### Komplette kodierende Sequenz der Gene und Verluste auf CNV-Ebene:

*ABRAXAS1, ACVR1B, ACVR2A, ADAMTS12, ADAMTS2, AMER1, APC, ARHGAP35, ARID1A, ARID1B, ARID2, ARID5B, ASXL1, ASXL2, ATM\*, ATR, ATRX, AXIN1, AXIN2, B2M, BAP1, BARD1\*, BCOR, BLM, BLMR2, BRCA1\*, BRCA2\*, BRIP1\*, CASP8, CBF3, CD274, CD276, CDC73, CDH1, CDH10, CDK12\*, CDKN1A, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, CHEK1\*, CHEK2\*, CIC, CREBBP, CSMD3, CTCF, CTLA4, CUL3, CUL4A, CUL4B, CYLD, CYP2C9, DAXX, DDX3X, DICER1, DNMT3A, DOCK3, DPYD, DSC1, DSC3, ELF3, ENO1, EP300, EPCAM, EPHA2, ERAP1, ERAP2, ERCC2, ERCC4, ERFF1, ETV6, FANCA, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL\*, FANCM, FAT1, FBXW7, FUBP1, GATA3, GNA13, GPS2, HDAC2, HDAC9, HLA-A, HLA-B, HNF1A, INPP4B, JAK1, JAK2, JAK3, KDM5C, KDM6A, KEAP1, KMT2A, KMT2B, KMT2C, KMT2D, LARP4B, LATS1, LATS2, MAP2K4, MAP2K7, MAP3K1, MAP3K4, MAPK8, MEN1, MGA, MLH1, MLH3, MRE11, MSH2,*

*MSH3, MSH6, MTAP, MUTYH, NBN\*, NCOR1, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, NOTCH4, PALB2\*, PARP1, PARP2, PARP3, PARP4, PBRM1, PDCD1, PDCD1LG2, PDIA3, PGD, PHF6, PIK3R1, PMS1, PMS2, POLD1, POLE, POT1, PPM1D, PPP2R2A, PRDM1, PRDM9, PRKAR1A, PTCH1, PTEN, PTPRT, RAD50, RAD51, RAD51B\*, RAD51C\*, RAD51D\*, RAD52, RAD54L\*, RASA1, RASA2, RB1, RBM10, RECQL4, RNASEH2A, RNASEH2B, RNF43, RPA1, RUNX1, SDHA, SDHB, SDHD, SETD2, SLX4, SMAD2, SMAD4, SMARCA4, SMARCB1, SOX9, SPEN, STAG2, STK11, SUFU, TAP1, TAP2, TBX3, TCF7L2, TET2, TGFB2, TNFAIP3, TNFRSF14, TP53, TP63, TPP2, TSC1, TSC2, USP9X, VHL, WT1, XRCC2, XRCC3, ZFX3, ZMYM3*

\* HRR-Gene (LOH Detektion auf Genebene möglich)

Genfusionen (Inter- und intragenisch)

*AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, BRAF, BRCA1, CDKN2A, EGFR, ERBB2, ERBB4, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MAP3K8, MET, MTAP, MYB, MYBL1, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PIK3CA, PIK3CB, PPARG, PRKACA, PRKACB, RAF1, RARA, RELA, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3, STAT6, TERT, TFE3, TFEB, YAP1*